



Hace constar que:

Carlos Arango

Participó en el 1er Taller Anual: Del Gen al Cultivo como PONENTE – con la presentación de: Modelado y simulación de proteínas mediante dinámica molecular

En constancia de lo anterior, se firma en Santiago de Cali a los siete (07) días del mes de diciembre de 2019.

Andrés Jaramillo Botero
Director Científico

Luis Eduardo Tobón
Subdirector Fortalecimiento Institucional

Apoyan:



Taller P3 ÓMICAS: Modelado y simulación de proteínas mediante dinámica molecular

Carlos A. Arango, ALM-AU.4, 1:30-3:00 PM. Universidad Javeriana, Cali, Colombia

Objetivo: dibujar una proteína transmembrana empleando VMD.

Los estudiantes usarán las diferentes representaciones y comandos del programa VMD (*Visual Molecular Dynamics*) para seleccionar únicamente el receptor en un complejo proteico que contiene cinco entidades bioquímicas y un ligando.

Ejercicio: buscar en el *protein data bank* la estructura cristalina del complejo 3SN6. Siga las indicaciones del instructor para seleccionar únicamente el receptor. Empleando las diferentes opciones de los menús de VMD, busque la secuencia primaria del receptor para identificar los residuos comprometidos en cada una de las 7 hélices transmembrana. Dibuje el receptor con las hélices en una misma representación, pero de diferentes colores.